

RESUME

La taxonomie, la structuration génétique des populations et les relations phylogénétiques existantes chez les populations appartenant au sous genre *Barbus* ont été étudiées comparativement par les méthodes morphométriques et l'électrophorèse des protéines enzymatiques. Les échantillons proviennent de l'ensemble des bassins versants du nord de l'Algérie et à un degré moindre des systèmes aquatiques sahariens – A titre de comparaison des échantillons du Maroc de Tunisie et de la péninsule Ibérique ont été intégrés dans cette étude – Si l'analyse multivariée basé sur des méthodes morphométriques permet de distinguer relativement, les groupes de populations du nord et du sud Algérien. L'analyse électrophorétique a permis de lever toutes les zones d'ombres qui caractérisent la systématique des Barbeaux nord Africains en général et Algérien en particulier. Les espèces *B.callensis* et *B.setivimensis* qui ont été assimilées dans de nombreuses études à l'espèce *B.callensis* Valenciennes à cause d'une forte ressemblance morphologique présente effectivement des différences génétiques fondamentales permettent de les distinguer en tant qu'espèces séparées – Par ailleurs, de nouveaux taxons non décrits jusqu'à présent ont été identifiés, ils ne présentent aucune corrélation entre les distances génétiques et la répartition géographiques. En effet, il s'avère que la populations des oueds de Kabylie et des oueds nord atlantiques Marocains présentent des similitudes importantes avec la population de *B.sclateri* de la péninsule Ibérique qu'avec d'autres populations nord – africaines – Cette situation nous a permis de confronter nos résultats aux données phylogénétiques précédentes portant sur les Barbeaux du bassin méditerranéen en général et d'Afrique du Nord en particulier.